

ÖZET

TÜRKİYE’NİN EGE VE AKDENİZ KIYILARINDA *OCHLEROTATUS ZAMMITII* (DIPTERA: CULICIDAE)’NİN DAĞILIM ÖRÜNTÜSÜ VE GENETİK YAPISININ BELİRLENMESİ

Sare İlknur CİHANGİR

Yüksek Lisans Tezi, Biyoloji Anabilim Dalı
Tez Danışmanları: Doç. Dr. Fatih Mehmet ŞİMŞEK
Prof. Dr. Celal ÜLGER

2012, 60 sayfa

Ochlerotatus mariae, *Ochlerotatus phoeniciae* ve *Ochlerotatus zammitii* olmak üzere 3 türden oluşan *Mariae* grubu, Dünya genelinde sınırlı bir dağılıma sahiptir. Grubun her üç türü de sadece Akdeniz ülkelerinin kıyı hatlarındaki kayalık habitatlardan tespit edilmiştir. Türkiye’de, *Mariae* grubu türlerinden *Oc. phoeniciae* ve *Oc. zammitii* türleri bulunmaktadır. Bu çalışmada, *Oc. zammitii* türünün Akdeniz ve Ege bölgelerinde dağılım örüntüsü ve genetik yapısının belirlenmesi amaçlanmıştır. Bu amaç doğrultusunda, Antalya, Muğla, Aydın, İzmir, Balıkesir ve Çanakkale illerinin kıyısız bölgelerinde belirlenen 20 farklı kayalık lokalitede *Oc. zammitii*’nin larva ve ergin örnekleri toplanmıştır. Elde edilen örneklerden öncelikli olarak DNA izolasyonu yapılmıştır. DNA izolasyonundan sonra her lokaliteye ait örneklerin mtDNA *ND4* gen bölgesi uygun primerler kullanılarak Polimeraz Zincir Reaksiyonu ile çoğaltılmıştır. *Ochlerotatus zammitii* örneklerinden elde edilen *ND4* gen bölgesinin dizileriyle yapılan analizler sonucunda, türün dağılım alanında *ND4* geninin 22 haplotipi tespit edilmiştir. Coğrafik uzaklık ve Γ_{st} değerlerine göre 7 farklı gruba ayrılan örnekleme lokalitelerinde AMOVA yapılarak gruplar arasındaki varyasyon % 67.25, grupları oluşturan lokaliteler arasındaki varyasyon % 2.93 olarak bulunmuşken, lokaliteler içindeki varyasyon % 29.82 olmuştur. Ayrıca populasyonlar arasındaki gen akışı da hesaplanmış ve birbirlerine yakın lokaliteler arasında gen akışının yüksek, genetik uzaklık ağacına dayanılarak yapılan gruplandırmalarda ise gruplar arası gen akışının oldukça düşük olduğu sonucuna ulaşılmıştır.

Anahtar sözcükler: *Ochlerotatus zammitii*, Mitokondriyal DNA, *ND4*, Akdeniz, Ege.